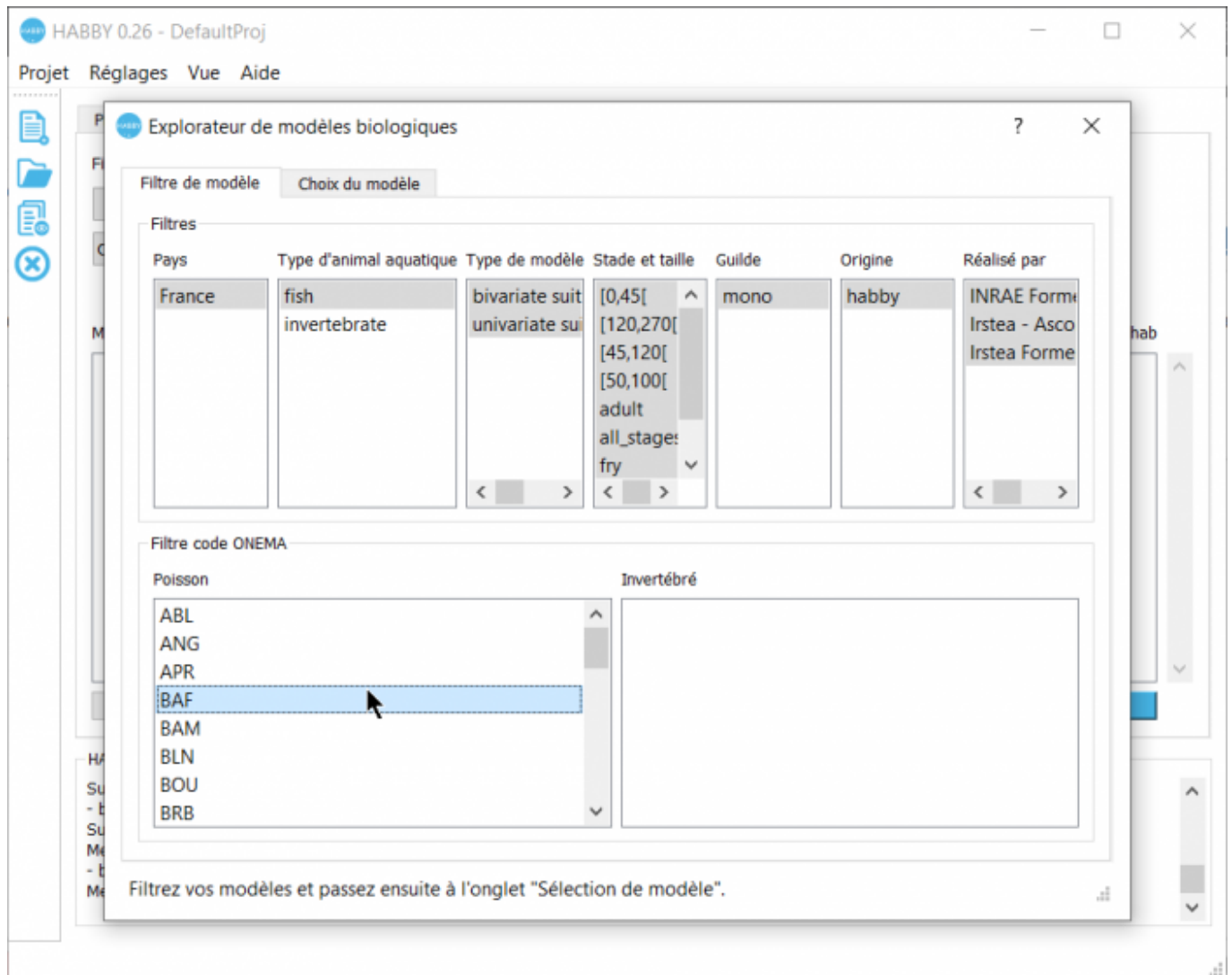


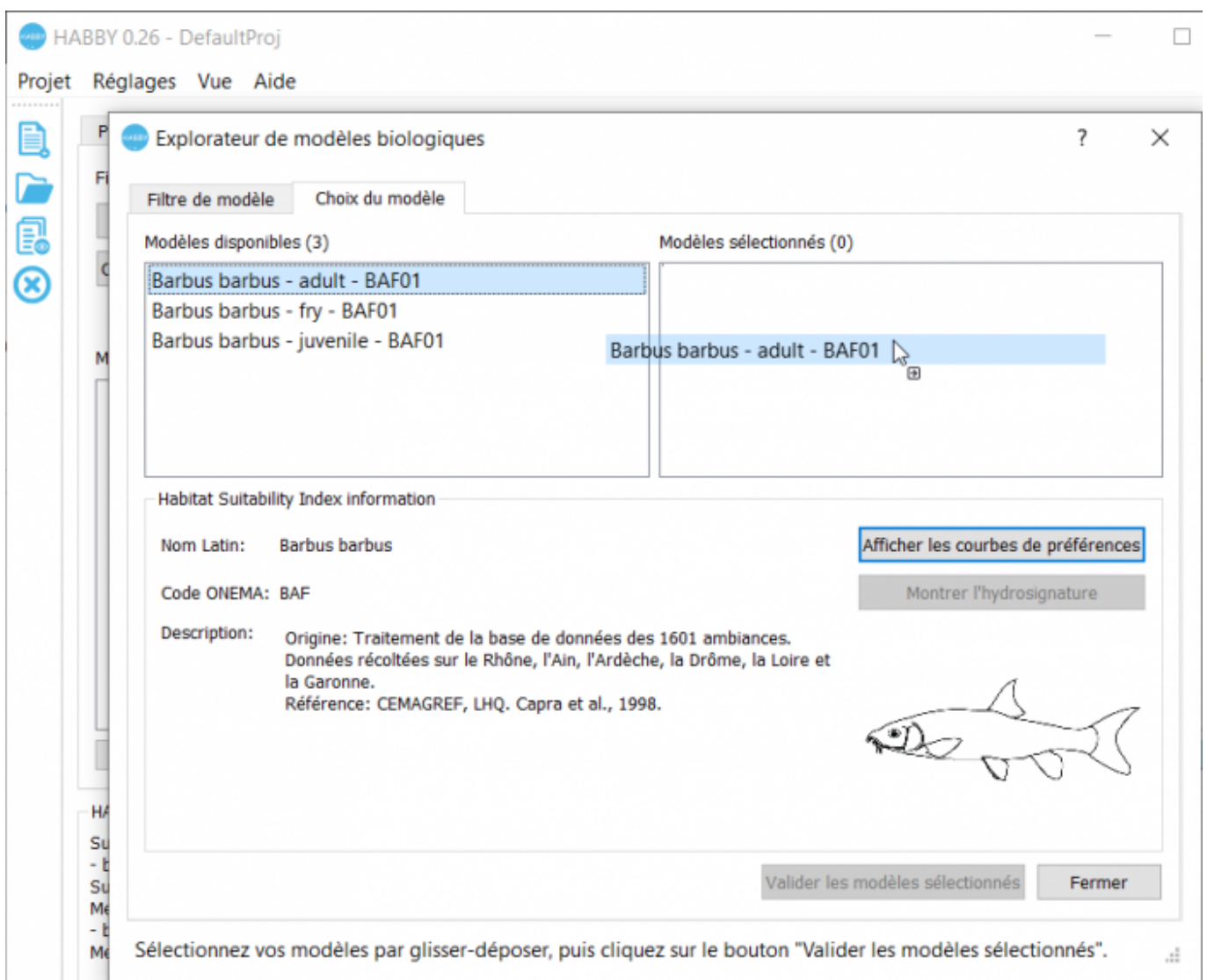
L'explorateur de modèles biologiques

Dans ce premier onglet **Filtre de modèle** de la fenêtre **Explorateur de modèle biologique**, utilisez les différents **Filtres** pour affiner votre recherche au niveau des **Filtres code Onema**, puis passez à l'onglet suivant **Choix du modèle**.



Dans ce deuxième onglet **Choix du modèle** de la fenêtre **Explorateur de modèle biologique**, il est possible de visualiser les modèles biologiques en graphique ainsi que leur hydrosignature quand cette dernière est disponible.

Glissez-déposez le(s) modèle(s) dans la liste de droite puis validez avec le bouton **Valider les modèles sélectionnés** pour le(s) ajouter à l'onglet **Calc. hab** de la fenêtre principale.



Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of available models for 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, there is a section for 'Habitat Suitability Index information' with fields for 'Nom Latin', 'Code ONEMA', and 'Description'. A drawing of a fish is shown next to the description. At the bottom of the explorer, there are buttons for 'Valider les modèles sélectionnés' and 'Fermer'.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window is open, displaying three graphs showing the Habitat Suitability Index (HSI) for different environmental variables:

- Top Graph:** HSI vs. Hauteur d'eau [m]. The HSI starts at 0.0 at 0.0m, rises to a peak of 1.0 at 0.5m, and then remains at 1.0 up to 3.0m.
- Middle Graph:** HSI vs. Velocity [m/s]. The HSI starts at 0.0 at 0.0 m/s, rises to a peak of 1.0 at 1.0 m/s, and then gradually decreases to 0.0 at 3.0 m/s.
- Bottom Graph:** HSI vs. Substrat Dominant [Cemagref]. The HSI is 0.0 for substrates 1-4, increases to approximately 0.4 for substrate 5, 0.5 for substrate 6, 1.0 for substrate 7, and 0.6 for substrate 8.

At the bottom of the HSI window, there are navigation icons and a 'run' button.

At the bottom of the entire interface, there is a note: 'Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".'

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

Last update: 2021/04/27 13:38 fr:guide_utilisateur:explo_modeles_biologiques https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:explo_modeles_biologiques&rev=1619523485

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:explo_modeles_biologiques&rev=1619523485

Last update: **2021/04/27 13:38**

