

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) window is open, showing a list of available models for 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, code, and description. A button 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves) is visible.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs illustrating the habitat suitability index (HSI) for this model. The top graph shows HSI vs. 'Hauteur d'eau [m]' (Water height [m]), the middle graph shows HSI vs. 'Velocity [m/s]', and the bottom graph shows HSI vs. 'Substrat Dominant [Cemagref]' (Dominant substrate [Cemagref]).

The 'Hauteur d'eau [m]' graph shows a blue line with points at (0.0, 0.0), (0.1, 0.1), (0.2, 0.2), (0.3, 0.8), (0.4, 0.9), (0.5, 1.0), (0.6, 0.9), (0.7, 0.8), (0.8, 0.5), (0.9, 0.5), (1.0, 0.5), (1.1, 0.5), (1.2, 0.5), (1.3, 0.5), (1.4, 0.5), (1.5, 0.5), (1.6, 0.5), (1.7, 0.5), (1.8, 0.5), (1.9, 0.5), (2.0, 0.5), (2.1, 0.5), (2.2, 0.5), (2.3, 0.5), (2.4, 0.5), (2.5, 0.5), (2.6, 0.5), (2.7, 0.5), (2.8, 0.5), (2.9, 0.5), (3.0, 0.5).

The 'Velocity [m/s]' graph shows a red line with points at (0.0, 0.0), (0.1, 0.1), (0.2, 0.4), (0.3, 0.7), (0.4, 0.8), (0.5, 0.8), (0.6, 0.8), (0.7, 0.8), (0.8, 0.8), (0.9, 0.8), (1.0, 1.0), (1.1, 0.8), (1.2, 0.7), (1.3, 0.6), (1.4, 0.5), (1.5, 0.4), (1.6, 0.3), (1.7, 0.2), (1.8, 0.1), (1.9, 0.0), (2.0, 0.0), (2.1, 0.0), (2.2, 0.0), (2.3, 0.0), (2.4, 0.0), (2.5, 0.0), (2.6, 0.0), (2.7, 0.0), (2.8, 0.0), (2.9, 0.0), (3.0, 0.0).

The 'Substrat Dominant [Cemagref]' graph shows a bar chart with cyan bars representing HSI values for different substrate types (1 to 8). The HSI values are approximately: 1: 0.1, 2: 0.1, 3: 0.1, 4: 0.1, 5: 0.4, 6: 0.5, 7: 1.0, 8: 0.6.

At the bottom of the interface, there is a 'run' button and a 'Fermer' (Close) button. A footer message reads: 'Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".'

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres courbes de préférences sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models". Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

Last update: 2021/02/19 13:31 fr:guide_utilisateur:modes_biologiques https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_biologiques&rev=1613737867

From:
<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:
https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_biologiques&rev=1613737867

Last update: **2021/02/19 13:31**

