

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Models Explorer) window is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' section provides details: Nom Latin: *Barbus barbus*, Code ONEMA: BAF, and a description of the data source (1601 environments from the Rhône, Ain, Ardèche, Drôme, Loire, and Garonne rivers, referenced to CEMAGREF, LHQ, Capra et al., 1998). A drawing of a barbel fish is shown. Buttons for 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves), 'Montrer l'hydrosignature' (Show hydrosignature), 'Valider les modèles sélectionnés' (Validate selected models), and 'Fermer' (Close) are visible.

The main window, titled 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01', contains three graphs showing the Habitat Suitability Index (HSI) for this model:

- Graph 1: HSI vs. Hauteur d'eau [m]** (Water Height [m]). The HSI starts at 0.0 at 0.0m, rises to a peak of 1.0 at approximately 0.6m, and then remains constant at 1.0 up to 3.0m.
- Graph 2: HSI vs. Velocity [m/s]** (Velocity [m/s]). The HSI starts at 0.0 at 0.0 m/s, rises to a peak of 1.0 at 1.0 m/s, and then gradually decreases to 0.0 at 3.0 m/s.
- Graph 3: HSI vs. Substrat Dominant [Cemagref]** (Dominant Substrate [Cemagref]). The HSI is 0.0 for substrates 1-4, increases to approximately 0.4 for substrate 5, 0.5 for substrate 6, peaks at 1.0 for substrate 7, and decreases to approximately 0.6 for substrate 8.

At the bottom of the interface, a message reads: 'Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".'

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres courbes de préférences sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models". Ces

fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modeles_biologiques&rev=1613737942

Last update: **2021/02/19 13:32**

