

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A button 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves) is visible.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs illustrating the habitat suitability index (HSI) for this model. The top graph shows HSI vs. Water Height [m], the middle graph shows HSI vs. Velocity [m/s], and the bottom graph shows HSI vs. Substrate Dominant [Cemagref].

Variable	Value	HSI
Hauteur d'eau [m]	0.0	0.0
	0.2	0.1
	0.5	0.8
Velocity [m/s]	0.0	0.1
	0.2	0.4
	0.5	0.7
Substrat Dominant [Cemagref]	1	0.1
	2	0.1
	3	0.1
	4	0.1
	5	0.4
	6	0.5
	7	1.0
	8	0.6

At the bottom of the interface, there is a button 'run' and a 'run' button on the right side. A fish illustration is also present in the bottom right area.

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_bologiques&rev=1615902030

Last update: **2021/03/16 14:40**

