

# Les modèles biologiques

## Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Models Explorer) window is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A button 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves) is visible. On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs: 1) HSI vs. Water Height [m], 2) HSI vs. Velocity [m/s], and 3) HSI vs. Substrate Dominant [Cemagref].

Hauteur d'eau [m]	HSI
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.2
0.3	0.8
0.4	0.9
0.5	1.0
0.6	0.9
0.7	0.8
0.8	0.5
0.9	0.5
1.0	0.5
3.0	0.5

Velocity [m/s]	HSI
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.4
0.3	0.7
0.4	0.8
0.5	0.8
0.6	0.9
0.7	0.9
0.8	0.8
0.9	0.7
1.0	0.6
1.1	0.5
1.2	0.4
1.3	0.3
1.4	0.2
1.5	0.1
1.6	0.0
3.0	0.0

Substrat Dominant [Cemagref]	HSI
1	0.1
2	0.1
3	0.1
4	0.1
5	0.4
6	0.5
7	1.0
8	0.6

## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models”

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

[https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide\\_utilisateur:modeles\\_biologiques&rev=1615902069](https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modeles_biologiques&rev=1615902069)

Last update: **2021/03/16 14:41**

