

# Les modèles biologiques

## Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. The main window is titled 'HABBY 0.26 - DefaultProj' and includes a sidebar with navigation options like 'Projet', 'Réglages', 'Vue', and 'Aide'. The 'Explorateur de modèles biologiques' window is open, showing a list of available models (64) and a search filter. The 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window is also open, displaying three charts showing the Habitat Suitability Index (HSI) for this species across different parameters: Water Height (Hauteur d'eau [m]), Velocity (Velocity [m/s]), and Substrate Dominant (Cemagref). Below the charts, there is a detailed information panel for the selected model, including its Latin name, ONEMA code, and a description. A fish illustration is also present.

**Explorateur de modèles biologiques**

Filtre de modèle: Choix du modèle

Modèles disponibles (64)

- Barbatula barbatula - juvenile - LOF01
- Barbus barbus - adult - BAF01
- Barbus barbus - fry - BAF01
- Barbus barbus - juvenile - BAF01
- Barbus meridionalis - [0,45[ - BAM01b
- Barbus meridionalis - [120,270[ - BAM01b
- Barbus meridionalis - [45,120[ - BAM01b

**HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01**

Three charts showing HSI (Y-axis, 0.0 to 1.0) vs. parameter (X-axis):

- Hauteur d'eau [m]:** HSI starts at 0.0 for 0.0m, rises to ~0.8 at 0.5m, peaks at 1.0 at 0.7m, then drops to 0.5 at 1.0m and remains constant at 0.5 for higher water heights.
- Velocity [m/s]:** HSI starts at 0.0 for 0.0 m/s, rises to ~0.8 at 0.5 m/s, peaks at 1.0 at 1.0 m/s, then gradually decreases to 0.0 at 3.0 m/s.
- Substrat Dominant [Cemagref]:** HSI is 0.0 for substrates 1-4, rises to ~0.4 for 5, ~0.5 for 6, peaks at 1.0 for 7, and drops to ~0.6 for 8.

**Habitat Suitability Index information**

Nom Latin: Barbus barbus

Code ONEMA: BAF

Description: Origine: Traitement de la base de données des 1601 ambiances. Données récoltées sur le Rhône, l'Ain, l'Ardèche, la Drôme, la Loire et la Garonne. Référence: CEMAGREF, LHQ, Capra et al., 1998.

Buttons: Afficher les courbes de préférences, Montrer l'hydrosignature, Valider les modèles sélectionnés, Fermer

Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".

## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

[https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide\\_utilisateur:modeles\\_biologiques&rev=1619520498](https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modeles_biologiques&rev=1619520498)

Last update: **2021/04/27 12:48**

