

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' window shows a list of available models, with 'Barbus barbus - juvenile - BAF01' selected. Below this, the 'Habitat Suitability Index information' window provides details for the selected model, including its Latin name, code, and description. On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window contains three graphs showing the Habitat Suitability Index (HSI) for this species across different environmental parameters: water height, velocity, and dominant substrate. A 'run' button is visible on the right side of the interface.

HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01

Hauteur d'eau [m]	HSI
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.2
0.3	0.8
0.4	0.9
0.5	1.0
0.6	0.9
0.7	0.5
0.8	0.5
0.9	0.5
1.0	0.5
1.1	0.5
1.2	0.5
1.3	0.5
1.4	0.5
1.5	0.5
1.6	0.5
1.7	0.5
1.8	0.5
1.9	0.5
2.0	0.5
2.1	0.5
2.2	0.5
2.3	0.5
2.4	0.5
2.5	0.5
2.6	0.5
2.7	0.5
2.8	0.5
2.9	0.5
3.0	0.5

Velocity [m/s]	HSI
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.4
0.3	0.7
0.4	0.8
0.5	0.8
0.6	0.8
0.7	0.9
0.8	0.9
0.9	0.9
1.0	1.0
1.1	0.9
1.2	0.8
1.3	0.7
1.4	0.6
1.5	0.5
1.6	0.4
1.7	0.3
1.8	0.2
1.9	0.1
2.0	0.0
2.1	0.0
2.2	0.0
2.3	0.0
2.4	0.0
2.5	0.0
2.6	0.0
2.7	0.0
2.8	0.0
2.9	0.0
3.0	0.0

Substrat Dominant [Cemagref]	HSI
1	0.1
2	0.1
3	0.1
4	0.1
5	0.4
6	0.5
7	1.0
8	0.6

Habitat Suitability Index information

Nom Latin: Barbus barbus

Code ONEMA: BAF

Description: Origine: Traitement de la base de données des 1601 ambiances. Données récoltées sur le Rhône, l'Ain, l'Ardèche, la Drôme, la Loire et la Garonne. Référence: CEMAGREF, LHQ, Capra et al., 1998.

Afficher les courbes de préférences

Montrer l'hydrosignature

Valider les modèles sélectionnés

Fermer

Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modeles_biologiques&rev=1619523373

Last update: **2021/04/27 13:36**

