

# Les modèles biologiques

## Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. The main window is titled 'HABBY 0.26 - DefaultProj' and includes a sidebar with navigation options like 'Projet', 'Réglages', 'Vue', and 'Aide'. The 'Explorateur de modèles biologiques' window is open, showing a list of 64 available models. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, there is a section for 'Habitat Suitability Index information' with fields for 'Nom Latin', 'Code ONEMA', and 'Description'. The description mentions the origin of the data and the reference: 'Cemagref, LHQ, Capra et al., 1998'. A fish icon is shown next to the description. The 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window is also open, displaying three graphs showing the Habitat Suitability Index (HSI) for this species across different environmental parameters: 'Hauteur d'eau [m]', 'Velocity [m/s]', and 'Substrat Dominant [Cemagref]'. The HSI values range from 0.0 to 1.0. The 'Substrat Dominant' graph is a bar chart showing HSI values for different substrate types (1-8). A 'run' button is visible in the bottom right corner of the interface.

**Modèles disponibles (64)**

- Barbatula barbatula - juvenile - LOF01
- Barbus barbus - adult - BAF01
- Barbus barbus - fry - BAF01
- Barbus barbus - juvenile - BAF01
- Barbus meridionalis - [0,45[ - BAM01b
- Barbus meridionalis - [120,270[ - BAM01b
- Barbus meridionalis - [45,120[ - BAM01b

**Habitat Suitability Index information**

Nom Latin: Barbus barbus

Code ONEMA: BAF

Description: Origine: Traitement de la base de données des 1601 ambiances. Données récoltées sur le Rhône, l'Ain, l'Ardèche, la Drôme, la Loire et la Garonne. Référence: CEMAGREF, LHQ, Capra et al., 1998.

**Graphs:**

- Hauteur d'eau [m]:** HSI starts at 0.0 for 0.0m, rises to ~0.8 at 0.5m, peaks at 1.0 at 0.7m, then drops to 0.5 at 1.0m and remains constant at 0.5 up to 3.0m.
- Velocity [m/s]:** HSI starts at 0.0 for 0.0m/s, rises to ~0.8 at 0.5m/s, peaks at 1.0 at 1.0m/s, then gradually decreases to 0.0 at 3.0m/s.
- Substrat Dominant [Cemagref]:** HSI values are low (around 0.1) for substrates 1-4, increase to ~0.4 for 5, ~0.5 for 6, peak at 1.0 for 7, and decrease to ~0.6 for 8.

Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".

## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

[https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide\\_utilisateur:modeles\\_biologiques&rev=1619523373](https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modeles_biologiques&rev=1619523373)

Last update: **2021/04/27 13:36**

