

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Models Explorer) window shows a list of 64 models, with 'Barbus barbus - juvenile - BAF01' selected. Below this, the 'Habitat Suitability Index information' for the selected model is shown, including the Latin name 'Barbus barbus', the code 'BAF', and a description of the data source. A button 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves) is visible. The main window displays three graphs for the selected model: 1) A line graph of VHI vs. Water Height [m], showing a peak at 0.7m. 2) A line graph of VHI vs. Velocity [m/s], showing a peak at 1.0 m/s. 3) A bar chart of VHI vs. Dominant Substrate [Cemagref], with the highest suitability at substrate class 7. A 'run' button is also present.

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models”

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From:

<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:

https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biologiques&rev=1619525765

Last update: **2021/04/27 14:16**

