

# Les modèles biologiques

## Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.



## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

## Caractéristiques des fichiers de modèle biologique

### Généralité

1. Extension : .xml

### Balises xml

1. CdBiologicalModel : code unique pour la base de donnée HABBY
2. CdAlternative : utilisé dans le tris de l'explorateur de modèle biologique
  1. attribut : OrgCdAlternative : type de code (ex : ONEMA)
  2. valeur : valeur du code (BAF)
3. ModelType : "univariate suitability index curves", "bivariate suitability index models"

From:  
<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:  
[https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:manuel\\_reference:modeles\\_biologiques&rev=1620134502](https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biologiques&rev=1620134502)

Last update: **2021/05/04 15:21**

