

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.



Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur à la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

Caractéristiques des fichiers de modèle biologique

Généralité



1. Extension : .xml

Balises xml



1. CdBiologicalModel : code unique pour la base de donnée HABBY
 1. valeur : valeur du code (BAF01, ...)
2. CdAlternative : utilisé dans le tris de l'explorateur de modèle biologique
 1. attribut : OrgCdAlternative : type de code (ONEMA, ...)
 2. valeur : valeur du code (BAF, ...)
3. ModelType :
 1. valeur : nom du modèle ("univariate suitability index curves" et "bivariate suitability index models")
4. Country :
 1. valeur : Nom du pays
5. MadeBy :
 1. valeur : Nom de l'organisme qui a créé le modèle biologique

From:
<https://habby.wiki.inrae.fr/> - **HABBY**

Permanent link:
https://habby.wiki.inrae.fr/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biotiques&rev=1620134742

Last update: **2021/05/04 15:25**

