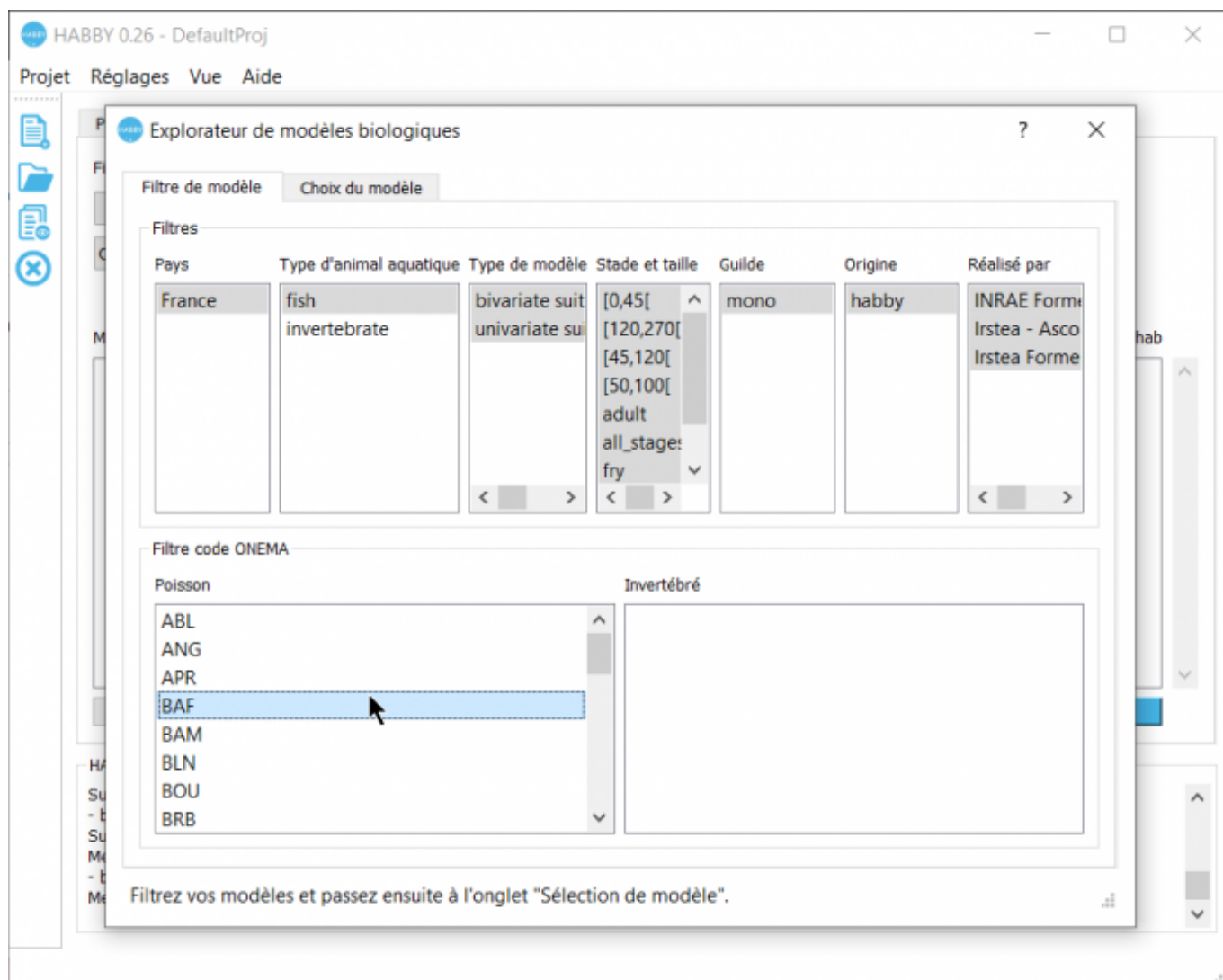


L'explorateur de modèles biologiques

Dans ce premier onglet **Filtre de modèle** de la fenêtre **Explorateur de modèle biologique**, utilisez les différents **Filtres** pour affiner votre recherche au niveau des **Filtres code Onema**, puis passez à l'onglet suivant **Choix du modèle**.



Dans ce deuxième onglet **Choix du modèle** de la fenêtre **Explorateur de modèle biologique**, il est possible de visualiser les modèles biologiques en graphique ainsi que leur hydrosignature quand cette dernière est disponible.

Glissez-déposez le(s) modèle(s) dans la liste de droite puis validez avec le bouton **Valider les modèles sélectionnés** pour le(s) ajouter à l'onglet **Calc. hab** de la fenêtre principale.

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of models for 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, there is a section for 'Habitat Suitability Index information' with fields for 'Nom Latin', 'Code ONEMA', and 'Description'. A drawing of a fish is shown next to the description. On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window is open, displaying three graphs: 1) A line graph of VHI vs. Hauteur d'eau [m] (Water Height [m]), showing a peak at 0.7m. 2) A line graph of VHI vs. Velocity [m/s], showing a peak at 1.0 m/s. 3) A bar chart of VHI vs. Substrat Dominant [Cemagref] (Dominant Substrate [Cemagref]), showing a peak at substrate 7. The interface also includes a 'run' button and a 'Valider les modèles sélectionnés' (Validate selected models) button.

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - HABBY

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:explo_modeles_biologiques&rev=1619523485

Last update: 2021/04/27 13:38

