

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A drawing of a barbel fish is shown next to the information.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs illustrating the Habitat Suitability Index (HSI) for this model. The top graph shows HSI vs. Water Height [m], the middle graph shows HSI vs. Velocity [m/s], and the bottom graph shows HSI vs. Substrate Dominant [Cemagref].

Hauteur d'eau [m]	VH [0]
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.2
0.3	0.8
0.4	0.9
0.5	1.0
0.6	0.9
0.7	0.8
0.8	0.5
0.9	0.5
1.0	0.5
1.1	0.5
1.2	0.5
1.3	0.5
1.4	0.5
1.5	0.5
1.6	0.5
1.7	0.5
1.8	0.5
1.9	0.5
2.0	0.5
2.1	0.5
2.2	0.5
2.3	0.5
2.4	0.5
2.5	0.5
2.6	0.5
2.7	0.5
2.8	0.5
2.9	0.5
3.0	0.5

Velocity [m/s]	VH [0]
0.0	0.0
0.1	0.1
0.2	0.4
0.3	0.7
0.4	0.8
0.5	0.8
0.6	0.8
0.7	0.8
0.8	0.8
0.9	0.8
1.0	1.0
1.1	0.9
1.2	0.8
1.3	0.7
1.4	0.6
1.5	0.5
1.6	0.4
1.7	0.3
1.8	0.2
1.9	0.1
2.0	0.0
2.1	0.0
2.2	0.0
2.3	0.0
2.4	0.0
2.5	0.0
2.6	0.0
2.7	0.0
2.8	0.0
2.9	0.0
3.0	0.0

Substrat Dominant [Cemagref]	VH [0]
1	0.1
2	0.1
3	0.1
4	0.1
5	0.4
6	0.5
7	1.0
8	0.6

At the bottom of the interface, there are buttons for 'run', 'Afficher les courbes de préférences', 'Montrer l'hydrosignature', 'Valider les modèles sélectionnés', and 'Fermer'. A note at the bottom states: 'Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".'

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres courbes de préférences sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models”. Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - **HABBY**

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_bologiques&rev=1613737957

Last update: **2021/02/19 13:32**

