

# Les modèles biologiques

## Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A drawing of a barbus fish is shown next to the information.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs illustrating the Habitat Suitability Index (HSI) for this model. The top graph shows HSI vs. Water Height [m], the middle graph shows HSI vs. Velocity [m/s], and the bottom graph shows HSI vs. Substrate Dominant [Cemagref].

Variable	Value	HSI
Hauteur d'eau [m]	0.0	0.0
	0.2	0.1
	0.5	0.8
Velocity [m/s]	0.0	0.1
	0.2	0.4
	0.5	0.7
Substrat Dominant [Cemagref]	1	0.1
	2	0.1
	3	0.1
	4	0.1
	5	0.4
	6	0.5
	7	1.0
	8	0.6

Buttons for 'run', 'Afficher les courbes de préférences', 'Montrer l'hydrosignature', 'Valider les modèles sélectionnés', and 'Fermer' are visible.

## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models”

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - **HABBY**

Permanent link: [https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:guide\\_utilisateur:modes\\_bologiques&rev=1615902030](https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_bologiques&rev=1615902030)

Last update: **2021/03/16 14:40**

