

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is visible, showing a list of available models for 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. The main window shows the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' results, which include three graphs and a detailed information panel.

HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01

The graphs show the Habitat Suitability Index (HSI) for different environmental parameters:

- Hauteur d'eau [m]:** A line graph showing HSI values for water height. The HSI starts at 0.0 at 0.0m, rises to approximately 0.8 at 0.5m, peaks at 1.0 at 0.7m, and then remains constant at 0.5 for higher water heights up to 3.0m.
- Velocity [m/s]:** A line graph showing HSI values for velocity. The HSI starts at 0.0 at 0.0 m/s, rises to approximately 0.8 at 0.5 m/s, peaks at 1.0 at 1.0 m/s, and then gradually decreases to 0.0 at 3.0 m/s.
- Substrat Dominant [Cemagref]:** A bar chart showing HSI values for different substrate types. The HSI is 0.0 for substrates 1-4, increases to approximately 0.4 for substrate 5, 0.5 for substrate 6, 1.0 for substrate 7, and 0.6 for substrate 8.

The information panel provides details for the selected model:

- Nom Latin:** Barbus barbus
- Code ONEMA:** BAF
- Description:** Origine: Traitement de la base de données des 1601 ambiances. Données récoltées sur le Rhône, l'Ain, l'Ardèche, la Drôme, la Loire et la Garonne. Référence: CEMAGREF, LHQ, Capra et al., 1998.

Buttons for 'Afficher les courbes de préférences', 'Montrer l'hydrosignature', 'Valider les modèles sélectionnés', and 'Fermer' are also visible.

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - **HABBY**

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:guide_utilisateur:modes_biologiques&rev=1619520498

Last update: **2021/04/27 12:48**

