

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A button 'Afficher les courbes de préférences' (Show preference curves) is visible. On the right, three line graphs show the HSI (Habitat Suitability Index) for the selected model across different parameters: 'Hauteur d'eau [m]' (Water height), 'Velocity [m/s]', and 'Substrat Dominant [Cemagref]' (Dominant substrate). The first graph shows a peak in HSI at approximately 0.7m water height. The second graph shows a peak at 1.0 m/s velocity. The third graph is a bar chart showing HSI values for different substrate types, with the highest value at substrate type 7.

Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models”

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - **HABBY**

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biologiques&rev=1619525765

Last update: **2021/04/27 14:16**

