

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.

The screenshot displays the HABBY 0.26 software interface. On the left, the 'Explorateur de modèles biologiques' (Biological Model Explorer) is open, showing a list of available models for *Barbus barbus*. The selected model is 'Barbus barbus - juvenile - BAF01'. Below the list, the 'Habitat Suitability Index information' is displayed, including the Latin name, ONEMA code, and a description of the data source. A drawing of a barbus fish is shown next to the information.

On the right, the 'HSI : Barbus barbus - juvenile - BAF01' window shows three graphs illustrating the Habitat Suitability Index (HSI) for this model. The top graph shows HSI vs. Water Height (Hauteur d'eau [m]), the middle graph shows HSI vs. Velocity (Velocity [m/s]), and the bottom graph shows HSI vs. Dominant Substrate (Substrat Dominant [Cemagref]).

Variable	Value	HSI
Hauteur d'eau [m]	0.0	0.0
	0.2	0.1
	0.5	0.8
Velocity [m/s]	0.0	0.1
	0.2	0.4
	0.5	0.7
Substrat Dominant [Cemagref]	1	0.1
	2	0.1
	3	0.1
	4	0.1
	5	0.4
	6	0.5
	7	1.0
	8	0.6

At the bottom of the interface, there is a button labeled 'run' and a 'run' button on the right side. A footer message reads: 'Sélectionnez vos modèles par glisser-déposer, puis cliquez sur le bouton "Valider les modèles sélectionnés".'

Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur a la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

“C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models”

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans [le manuel de référence](#).

From: <https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/> - **HABBY**

Permanent link: https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biologiques&rev=1620134059

Last update: **2021/05/04 15:14**

