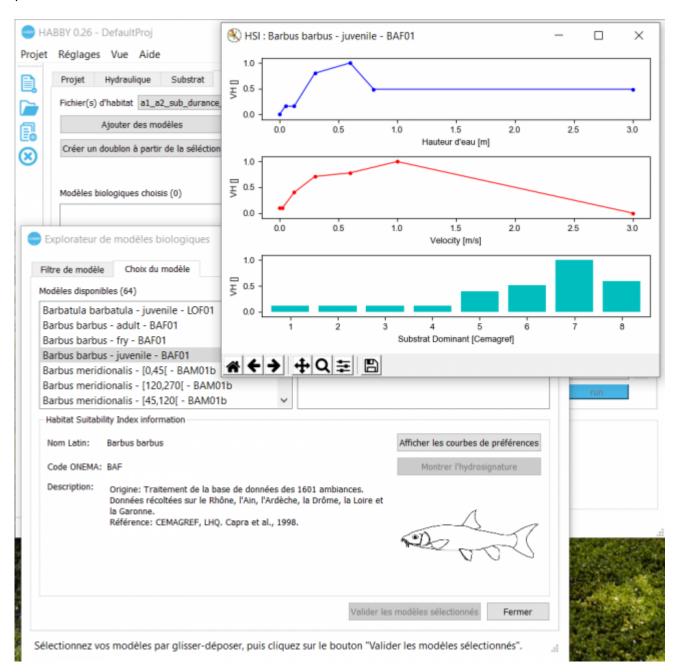
2025/12/01 13:23 1/2 Les modèles biologiques

# Les modèles biologiques

### **Généralités**

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.



## Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur à la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE\_EDF\_OFB\HABBY\user\_settings\biology\user\_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

## Caractéristiques des fichiers de modèle biologique

#### Généralité

1. Extension: .xml

#### **Balises** xml

- 1. CdBiologicalModel : code unique pour la base de donnée HABBY
  - 1. valeur: valeur du code (BAF01, ...)
- 2. CdAlternative : utilisé dans le tris de l'explorateur de modèle biologique
  - 1. attribut : OrgCdAlternative : type de code (ONEMA, ...)
  - 2. valeur: valeur du code (BAF, ...)
- 3. ModelType:
  - 1. valeur : nom du modèle ("univariate suitability index curves" et "bivariate suitability index models")
- 4. Country:
  - 1. valeur : Nom du pays
- 5. MadeBy:
  - 1. valeur : Nom de l'organisme qui a créé le modèle biologique

From:

https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/ - HABBY

Permanent link

 $https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:manuel\_reference:modeles\_biologiques\&rev=162013472.$ 

Last update: 2021/05/04 15:25

