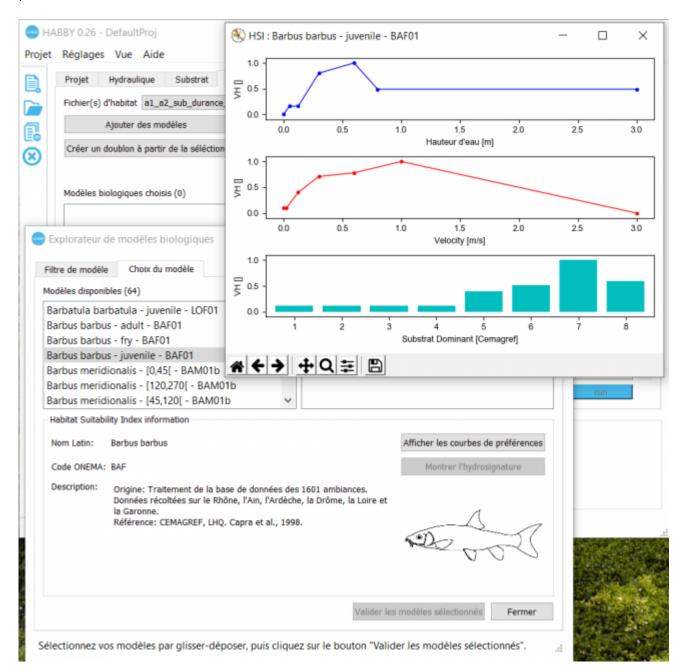
2025/12/02 05:12 1/2 Les modèles biologiques

Les modèles biologiques

Généralités

Le logiciel contient une base de donnée de modèles biologiques d'un grand nombre d'espèces piscicoles.



Ajout de modèle supplémentaires

L'utilisateur à la possibilité d'ajouter ses propres modèles biologiques sous la forme de fichiers .xml dans le répertoire :

"C:\Users\USERNAME\AppData\Local\INRAE_EDF_OFB\HABBY\user_settings\biology\user_models"

Ces fichiers .xml doivent respecter la norme HABBY. Cette dernière est décrite dans le manuel de référence.

Caractéristiques des fichiers de modèle biologique

Généralité



1. Extension: .xml

Balises xml



- 1. CdBiologicalModel : code unique pour la base de donnée HABBY
 - 1. valeur: valeur du code (BAF01, ...)
- 2. CdAlternative : utilisé dans le tris de l'explorateur de modèle biologique
 - 1. attribut : OrgCdAlternative : type de code (ONEMA, ...)
 - 2. valeur: valeur du code (BAF, ...)
- 3. ModelType:
 - 1. valeur : nom du modèle ("univariate suitability index curves" et "bivariate suitability index models")
- 4. Country:
 - 1. valeur: Nom du pays
- 5. MadeBy:
 - 1. valeur : Nom de l'organisme qui a créé le modèle biologique

From

https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/ - HABBY

Permanent link:

https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:manuel_reference:modeles_biologiques&rev=1620134747

Last update: 2021/05/04 15:25

