A partir de Stathab

Préambule

Utilisation de Stathab dans HABBY.

Prérequis

- Installer HABBY.
- Télécharger et extraire les fichiers d'entrée pour Stathab :
  - tuto_stathab_example_data.zip
- Un tableur, comme LibreOffice Calc ou Excel (pour visualisation des export TXT).

Étape par étape

Créer un nouveau projet

- Lancez le logiciel.
- Si nécessaire, mettre la langue en français avec le menu <hi #47B5E6>**Settings - Language - French**</hi>.
- Allez au menu <hi #47B5E6>**Projet - Nouveau**</hi>.

Ceci vous ouvre la fenêtre <hi #9BFFFF>**HABBY - Nouveau Projet**</hi>.

- Si nécessaire, changez le <hi #9BFFFF>**Répertoire du projet:**</hi>, en cliquant sur .
- Renseignez en <hi #9BFFFF>**Nom de projet:**</hi> : '*Tuto_Stathab*'.
- Choisissez en <hi #9BFFFF>**Type de projet:**</hi> : '*statistique*'.
- cliquez sur <hi #47B5E6>**[Créer un projet]**</hi>.

Le projet est alors créé et vous donne accès à de nouveaux onglets.

*Guide utilisateur : Création de projet

Utilisation de l'onglet Stathab

- Cliquez sur l'onglet <hi #9BFFFF>**Stathab**</hi>
- Cliquez sur le bouton <hi #9BFFFF>**[Choisir un dossier]**</hi>
- Dans la fenêtre de sélection, choisissez le répertoire 'tuto_stathab_example_data'
- Cliquez sur le bouton <hi #9BFFFF>**[Sélectionner un dossier]**</hi>
  - La liste des <hi #9BFFFF>**Rivières**</hi>, des <hi #9BFFFF>**Fichier trouvé**</hi> et des <hi #9BFFFF>**Fichiers non trouvés**</hi>, est alors affichée.
  - Si le répertoire est valide, <hi #9BFFFF>**All files found**</hi> doit être affiché dans la liste <hi #9BFFFF>**Fichiers non trouvés**</hi>.

- Cliquer sur <hi #9BFFFF>**[Choisir les modèles biologiques]**</hi> pour choisir un modèle biologique à l'aide de l'<hi #9BFFFF>**Explorateur de modèles biologiques**</hi>.

*Guide utilisateur : Explorateur de modèle biologique.

- Une fois avoir ajouté le modèles biologique à la liste de l'onglet <hi #9BFFFF>**Stathab**</hi>, cliquez sur le bouton <hi #9BFFFF>**[Lancer Stathab]**</hi>
- Le calcul s'effectue :
  - Des figures interactives sont alors ouvertes
  - Ces mêmes figures sont produites en fichier image dans le répertoire “Tuto_Stathab\output\figures”
  - Des fichier .txt de résultat produits dans le répertoire “Tuto_Stathab\output\text”

Utilisation des anciens modèles biologiques de Stathab

Des modèles bologiques issus de l'ancienne version de Stathab sont disponibles à partir de ce

lien

. Ces derniers sont à ajouter au logiciel HABBY dans le répertoire des modèles biologiques utilisateurs. Se référer au manuel de référence, partie Ajout de modèle supplémentaires.

From:
https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/ - **HABBY**

Permanent link:
https://habby.wiki.inrae.fr/lib/tpl/bootstrap3-multilang/doku.php?id=fr:tutorials:stathab&rev=1632913909

Last update: **2021/09/29 13:11**